

CONDICIÓN OPERATIVA DE LAS ÁREAS DE PRODUCCIÓN

Nº 11-18-GUA 1-SANIPES/DSFPA/SDSA

1. Nº MONITOREO:	11
2. SEMANA CORRESPONDIENTE :	----
3. TIPO DE MONITOREO :	SEMANAL 06
4. ZONA:	GUAYNUNA
5. CÓDIGO:	002
6. TIPO DE ACTIVIDAD:	CONCESIÓN
7. NOMBRE:	ACUACULTURA Y PESCA SAC /SCALLOPS PERU
8. CLASIFICACIÓN TEMPORAL:	APROBADA O TIPO A

ÁREA DE PRODUCCIÓN			Condición Operativa			ABIERTA ⁽¹⁾		
			Monitoreo Número			11		
			Semana de Monitoreo			-----		
			Fecha de Monitoreo			17.03.2018		
Denominación (Código)	Estación - Coordenadas	Muestra / Producto	Laboratorio			LAB SANIPES	Informe de Ensayo Nº	
			Ensayo		Unidades	Resultados de los indicadores sanitarios		
GUAYNUNA 1 002-GUA-01	01-A-GUA (09°20'47.4" - 78°25'51.0") *	Concha de Abanico (Argopecten purpuratus) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
				Grupo AZA	µg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
				Grupo YTX	mg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
			Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	1461-18
			Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	1461-18
			Enumeración de Escherichia coli			NMP/100 g	NC	NC
			Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	NC	NC
			Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	NC	NC
		Agua de Mar	Numeración de C. termotolerantes		NMP/100 mL	NC	NC	
		01-B-GUA (09°21'36.0" - 78°25'54.9") *	Concha de Abanico (Argopecten purpuratus) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	1484-18
	Grupo AZA				µg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
	Grupo YTX				mg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
	Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	1461-18		
	Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	1461-18		
	Enumeración de Escherichia coli			NMP/100 g	NC	NC		
	Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	NC	NC		
	Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	NC	NC		
	Agua de Mar		Numeración de C. termotolerantes		NMP/100 mL	NC	NC	
	01-C-GUA (09°21'21.1" - 78°27'01.9") *		Concha de Abanico (Argopecten purpuratus) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	1484-18
		Grupo AZA			µg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
		Grupo YTX			mg equiv./Kg	< LCM	1484-18	
		Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	1461-18	
		Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	1461-18	
		Enumeración de Escherichia coli			NMP/100 g	NC	NC	
		Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	NC	NC	
		Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	NC	NC	
		Agua de Mar	Numeración de C. termotolerantes		NMP/100 mL	NC	NC	

SECRETARÍA DE SALUD PÚBLICA

DIRECCIÓN DE INSPECCIÓN Y SUPERVISIÓN DE LA INDUSTRIA ALIMENTARIA

SECRETARÍA DE SALUD PÚBLICA

NC:	No corresponde	LCM (ug eq. OA/Kg):	5.1	LCM (mg eq. YTX/Kg):	0.0034
NM:	No Monitoreado	LCM (ug eq. DTX2/Kg):	3.0	LCM (mg eq. h-YTX/Kg):	0.0038
SR:	Sin Recurso	LCM (ug eq. DTX1/Kg):	5.4	LCM (mg eq. 450H-YTX/Kg):	0.0034
GVND:	Genoma de virus no detectado en 2 g de Hepatopancreas	LCM (ug eq. PTX2/Kg):	1.8	LCM (mg eq. 450H-h-YTX/Kg):	0.0019
2:	Coordenadas según protocolo técnico sanitario. Coordenadas del monitoreo están en los informes de ensayo	LCM (ug eq. PTX1/Kg):	1.8		
		LCM (ug eq. AZA 3/Kg):	0.4		
		LCM (ug eq. AZA 2/Kg):	0.5		
		LCM (ug eq. AZA 1/Kg):	0.3		
< LCM:	Menor al Límite de Cuantificación del Método				

NOTA: ⁽¹⁾ La Condición Operativa "Abierta" sería hasta la fecha del siguiente monitoreo según cronograma oficial 2018
Se ha modificado el formato P02-SDSA-SANIPES-04 para que esté de acuerdo al Protocolo Técnico de Clasificación Sanitaria

ORGANISMO NACIONAL DE SANIDAD PESQUERA
- SANIPES -

Surquillo, Marzo del 2018

Ing. ALICIA BEATRIZ QUISPE SIGUENAS
Sub Directora de Supervisión Acuicola (e)

P02-SDSA-SANIPES-04
Rev. 00