

CONDICIÓN OPERATIVA DE LAS ÁREAS DE PRODUCCIÓN

Nº 30-19-GUA 1-SANIPES/DSFPA/SDSA

1. Nº MONITOREO:	30
2. SEMANA CORRESPONDIENTE :	-----
3. TIPO DE MONITOREO :	QUINCENAL 15
4. ZONA:	GUAYNUNA
5. CÓDIGO:	002
6. TIPO DE ACTIVIDAD:	CONCESIÓN
7. NOMBRE:	ACUACULTURA Y PESCA SAC /SCALLOPS PERU
8. CLASIFICACIÓN TEMPORAL:	APROBADA O TIPO A

ÁREA DE PRODUCCIÓN			Condición Operativa			ABIERTA ⁽¹⁾		
			Monitoreo Número			30		
			Semana de Monitoreo			-----		
			Fecha de Monitoreo			27.07.2019		
Denominación (Código)	Estación - Coordenadas	Muestra / Producto	Laboratorio			LAB SANIPES	Informe de Ensayo Nº	
			Ensayo		Unidades			Resultados de los indicadores sanitarios
GUAYNUNA 1 002-GUA-01	01-A-GUA (09°20'47.4" - 78°25'51.0") ^a	Concha de Abanico (<i>Argopecten purpuratus</i>) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo AZA	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo YTX	mg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
			Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	4942-19
			Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	4942-19
			Enumeración de <i>Escherichia coli</i>			NMP/100 g	0	5004-19
			Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	Ausencia	5004-19
			Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	GVND	4958-19
		Agua de Mar	Numeración de <i>C. termotolerantes</i>		NMP/100 mL	< 1.8	4989-19	
	01-B-GUA (09°21'36.0" - 78°25'54.9") ^a	Concha de Abanico (<i>Argopecten purpuratus</i>) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo AZA	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo YTX	mg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
			Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	4942-19
			Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	4942-19
			Enumeración de <i>Escherichia coli</i>			NMP/100 g	0	5004-19
			Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	Ausencia	5004-19
			Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	GVND	4958-19
		Agua de Mar	Numeración de <i>C. termotolerantes</i>		NMP/100 mL	< 1.8	4989-19	
	01-C-GUA (09°21'21.1" - 78°27'01.9") ^a	Concha de Abanico (<i>Argopecten purpuratus</i>) (Recurso Hidrobiológico)	Determinación de Biotoxinas Lipofílicas (DSP) Método Químico	Grupo OA (OA+DTX+PTX)	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo AZA	µg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
				Grupo YTX	mg equiv./Kg	< LCM	5037-19	
			Detección de Toxina Paralizante de Mariscos (PSP)			ug STX eq./Kg	< 300	4942-19
			Determinación de Ácido Domoico (ASP)			mg Ácido Domoico/kg	< 0.42	4942-19
			Enumeración de <i>Escherichia coli</i>			NMP/100 g	0	5004-19
			Detección de Salmonella			Ausencia o Presencia/ 25 g	Ausencia	5004-19
			Detección del Virus de la Hepatitis A			Genoma de virus (Detectado o No Detectado) en 2 g	GVND	4958-19
		Agua de Mar	Numeración de <i>C. termotolerantes</i>		NMP/100 mL	< 1.8	4989-19	



NC:	No corresponde	LCM (ug eq. OA/Kg):	5.1	LCM (mg eq. YTX/Kg):	0.0034
NM:	No Monitoreado	LCM (ug eq. DTX2/Kg):	3.0	LCM (mg eq. h-YTX/Kg):	0.0038
SR:	Sin Recurso	LCM (ug eq. DTX1/Kg):	5.4	LCM (mg eq. 450H-YTX/Kg):	0.0034
GVND:	Genoma de virus no detectado en 2 g de Hepatopancreas	LCM (ug eq. PTX2/Kg):	1.8	LCM (mg eq. 450H-h-YTX/Kg):	0.0019
a:	Coordenadas según protocolo técnico sanitario. Coordenadas del monitoreo están en los informes de ensayo	LCM (ug eq. PTX1/Kg):	1.8		
< LCM:	Menor al Límite de Cuantificación del Método	LCM (ug eq. AZA 3/Kg):	1.0		
		LCM (ug eq. AZA 2/Kg):	1.3		
		LCM (ug eq. AZA 1/Kg):	0.7		

NOTA: ⁽¹⁾ La Condición Operativa "Abierta" sería hasta la fecha del siguiente monitoreo según cronograma oficial 2019
Se ha modificado el formato P02-SDSA-SANIPES-04 para que esté de acuerdo al Protocolo Técnico de Clasificación Sanitaria

Surquillo, Agosto de 2019

ORGANISMO NACIONAL DE SANIDAD PESQUERA
- SANIPES -
Ing. KILDER ANTONIO EGOAVIL GALLARDO
Sub Director de Supervisión Acuícola (e)